

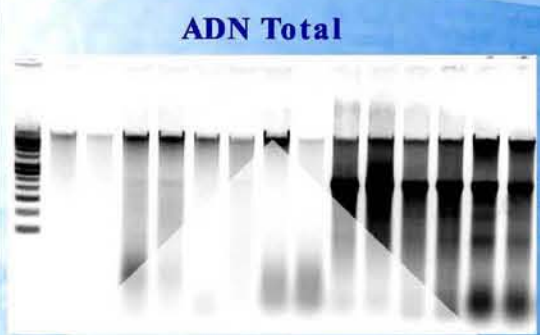
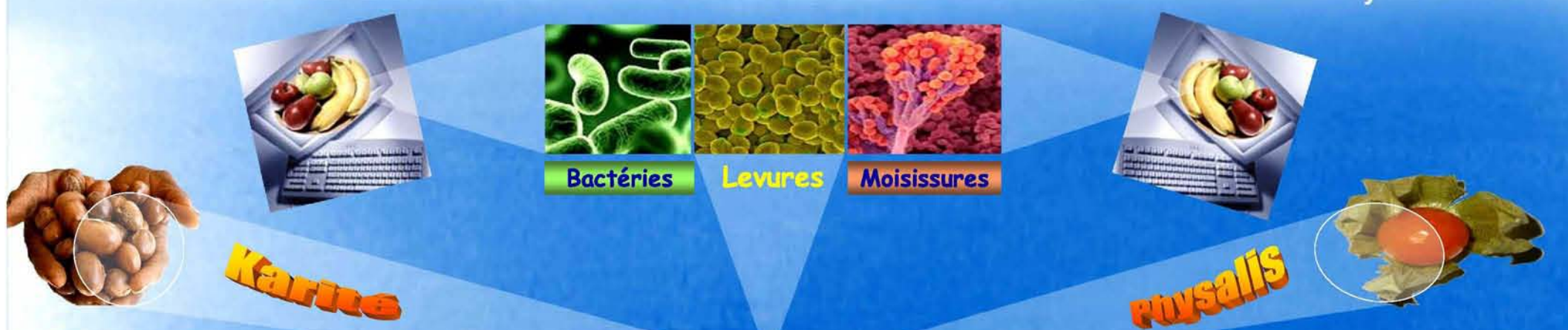
**Question principale:** Les échanges commerciaux s'intensifient et s'étendent à l'ensemble de la planète. Le consommateur est exigeant et sensible à la qualité et à l'origine des produits alimentaires qu'il achète...mais comment ?!! La Traçabilité, c'est l'aptitude à retrouver l'historique, l'utilisation ou la localisation d'une entité au moyen d'identifications enregistrées (ISO 8402, 1994).

**Hypothèse de Travail:** la PCR-DGGE est une technique de biologie moléculaire qui repose sur l'hypothèse que la microflore commensale (Bactéries, Levures et Moisissures) des fruits est spécifique, entre autre, d'une zone géographique de production.

**Points Forts:** (1) Notre nouvelle méthode de PCR-DGGE permet de relier les communautés microbiennes à l'origine géographique des fruits en un temps très court avec un code-barre biologique unique.

(2) Développer deux nouvelles techniques d'analyse des flores comme les levures et moisissures des fruits, ce qui n'a jamais été publié par d'autres équipes.

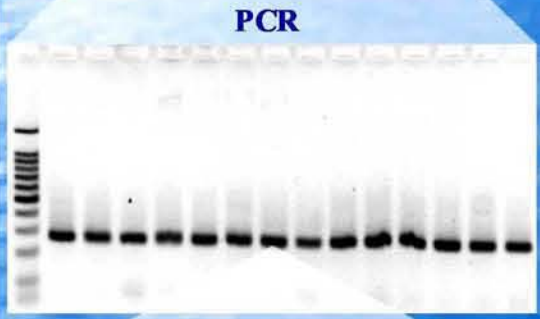
**Applications:** L'écologie des bactéries, levures et moisissures a été étudié sur le Karité et le Physalis, plantes et fruits de différentes zones géographiques aux forts potentiels commerciaux par l'utilisation d'empreintes de l'ADNr 16S, 26S et 28S des communautés microbiennes. Le poster présente l'application de l'empreinte génétique des levures présentes sur le Karité et le Physalis qui proviennent de plusieurs pays.



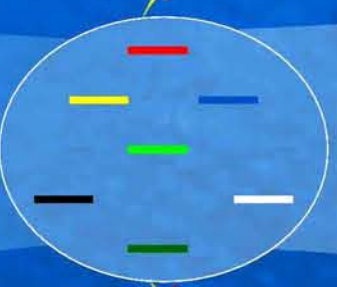
Extraction de l'ADN total des levures comprenant un mélange de l'ADN de différentes espèces



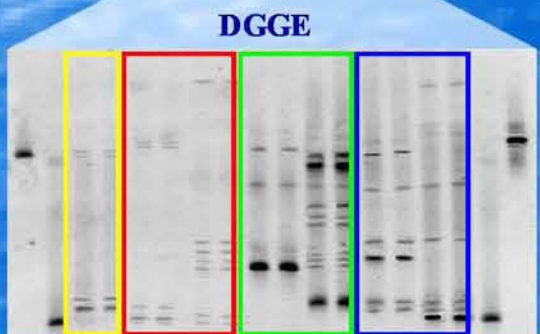
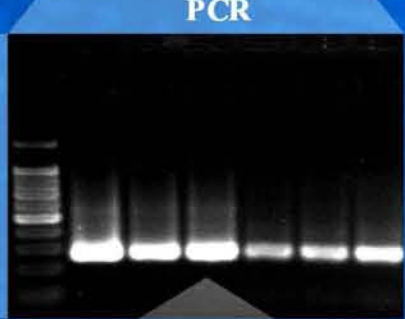
Méthodes d'extraction mécaniques, biochimiques et enzymatiques de l'ADN de levures qui permettent d'obtenir un haut niveau de pureté en évitant l'utilisation de kits de purification



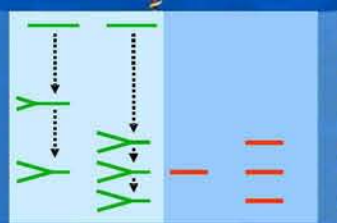
Les amplicons des ADN levuriens ont la même taille (250 pb) mais des séquences différentes



Amplification par PCR d'une région variable D1, D2 du gène de l'ARNr 26S avec le couple d'amorces universelles



Empreinte génétique de l'ADNr 26S des communautés levuriennes



Séparation des différentes séquences de l'ADN par DGGE qui permet de relier les communautés des levures à l'origine géographique de récolte

