

Acte de conférences



10^{ème} édition du congrès

28 et 29 mai 2018

Etude de la stabilité génétique d'un vaccin contre la Peste des Petits Ruminants (PPR)

Marie Boyer & Roger Jr Eloiflin, Arnaud Bataille

ASTRE, Animal, Santé, Territoires, Risques, Ecosystèmes, UMR INRA/CIRAD F-34398 Montpellier, France

Mots-clés : Virus PPR, Vaccin, NGS, Bioinformatique, Biologie Moléculaire

Etude de la stabilité génétique d'un vaccin contre la Peste des Petits Ruminants (PPR)

La peste des petits ruminants (PPR) est une maladie virale très contagieuse qui touche principalement les chèvres et les moutons (caprins et ovins) en Afrique, en Asie et au Moyen-Orient. La maladie est causée par un virus du genre *Morbillivirus*, de la famille des *Paramyxoviridae*. Le vaccin le plus utilisé (Nigeria 75-1) contre la PPR provient de la souche sauvage atténuée isolée au Nigeria en 1975. Soixante-quinze passages de la souche sauvage, en culture cellulaire à travers des cellules Véro (cellules de rein de singes), ont été réalisés pour obtenir une souche vaccinale atténuée. Pour tout vaccin, il est nécessaire de vérifier la stabilité de celui-ci afin d'éviter tout retour aux caractères infectieux lors de cultures cellulaires supplémentaires associées à la production de vaccin. Pour ce faire, plusieurs passages postérieurs à l'obtention du vaccin ont été récupérés ou effectués. Ces différents passages seront par la suite, séquencés et analysés via des outils de bio-informatiques et de bio statistiques afin de déterminer les différentes variations nucléotidiques pouvant affecter la stabilité du vaccin. Ce projet a pour objectif final de mettre en place un moyen de contrôle de la production des vaccins PPR vivants atténués.